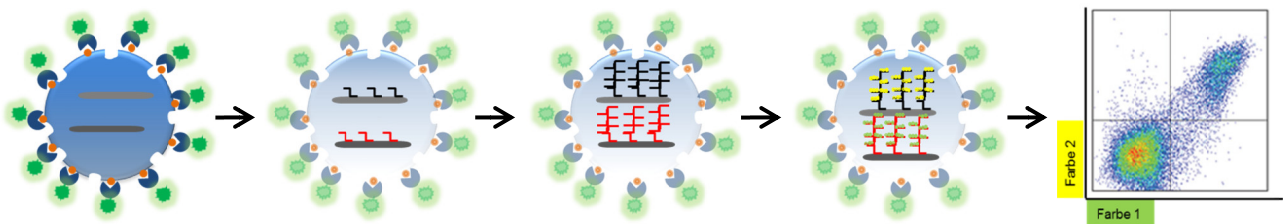


## Keine Lust mehr auf unzählige RT-PCR Assays? Wir haben PrimeFlow™!

### Was ist das Besondere?

Der PrimeFlow™ – die *in situ* Hybridisierung im Durchflusszytometer - kann auf Einzelzellbasis die RNA-Expression von bis zu vier Genen gleichzeitig erfassen und die Expression der Zielgene mit der phänotypischen Charakterisierung der exprimierenden Zelle kombinieren. Damit kann die jeweilige Genexpression ganz unterschiedlichen Subpopulationen oder Aktivierungsstadien zugeordnet – oder gleich mit dem Genprodukt verglichen werden.

### Wie funktioniert's?



1. Oberflächenmarker mit spezifischen Antikörpern markieren
2. Zellen fixieren und permeabilisieren
3. Intrazelluläre Proteine mit Antikörpern markieren
4. Zellen mit Gen-spezifischen Sonden inkubieren
5. Hybridisierung mit Vor- und mehreren fluoreszierenden Verstärkersonden
6. Quantifizierung der Fluoreszenzintensitäten der verschiedenen Fluorophore

### Was sind die Vorteile?

	PrimeFlow™	Klassische qRT-PCR
Arbeitsschritte	1.– 6. s.o. in <u>einem</u> Gefäß, anschauliche Auswertung	RNA Isolierung, cDNA-Synthese, q-RT-PCR, Umrechnung $2^{-\Delta\Delta CT}$
Output	Quantifizierung & Relation RNA/ Protein-Menge	nur Quantifizierung der RNA
Auflösung	RNA pro Zelle	RNA pro Probe
Dauer	2 Tage	2 Tage

### Interesse geweckt oder Fragen?

Dann einfach anrufen oder Email schreiben!

Weitere Infos zu dieser und anderen Anwendungen der Durchflusszytometrie auf unserer Webseite: <https://zsa.med.uni-rostock.de/forschung-lehre> (→ Dokumente)